

### **Breve descripción del proyecto**

Me gusta imaginarme en un mundo en el que la medicina es impulsada por la interpretación del ADN individual que permite a los médicos recomendar tratamientos personalizados. Específicamente, me gustaría explorar los estudios de asociación del genoma para hacer que las puntuaciones de riesgo poligénico sean más inclusivas y precisas. Actualmente, estas puntuaciones sólo son aplicables a personas de origen europeo único y tienen un poder predictivo limitado en poblaciones de otros orígenes o de orígenes mixtos. Así pues, es necesario ajustar el algoritmo a factores de ascendencia, para que las minorías y poblaciones mixtas tengan acceso a esta tecnología.